



PROGRAMME D'ÉLEVAGE

DICXILAND

1) Intitulé du programme :

INTRODUCTION EXPERIMENTALE ET PROVISoire DE LA RACE BENGAL DANS DES LIGNEES SCOTTISH FOLD

2) Présentation de l'éleveur :

- a. Nom, prénom, adresse, téléphone, e-mail, site internet.

Serge Atlan
968 route de Flouville 28270 Montigny sur avre,
Tél 06 77 13 57 39
Chatteriedicxiland@orange.fr
[Http://www.chattereidicxiland.com](http://www.chattereidicxiland.com)

- b. Affixe(s).

DICXILAND

- c. SIRET, Certificat de capacité s'il y a lieu (ou attestation de formation).

- 401 880 760 000 38
CETAC 28.122 en 2007 ACACED en 2018

- d. Expérience d'éleveur [ancienneté, race(s) élevée(s), usages en matière uis de santé (tests génétiques et/ou cliniques...)].

***Eleveur de British, Scottish, Persan, American Shorthair, et Bengal depuis 2007 avec plus de 500 chatons mis au monde depuis 2006/2007**

***Elevage entièrement identifié génétiquement, dépistages des maladies pour chaque races**

***Radiographies, échographies sur divers symptômes**

***Importation de divers lignées étrangères sur toutes les races**

- e. Expérience en exposition.

***Animateur et présentateur en exposition, clubs AFNP, AFR, AFPL, CFO**

***Elevage sous sélection SQR**

***Participation à plusieurs reprises et sur plusieurs races au CGA 2019/2020**

- f. Appartenance à un/des club(s) de la race faisant l'objet du programme d'élevage.

***Président de club de race THECC British / Scottish / Americcan Shorthair et Wirehair depuis 2017**

* Adhérent au Cercle Félin du Bengal (MME CAILLARD)

g. Éventuel parrainage.

*À voir avec le CFB cercle félin du Bengal

3) Justification du programme :

a. **Ouverture du pool génétique** - Nouvelle race - **Nouvelle couleur**/variété (voir [règlement NR/NC](#))

Je souhaite :

- Introduire les caractéristiques, les avantages athlétiques et éventuellement (mais pas le premier but) du patron spotted à rosettes dans la race Scottish fold sous certaines conditions.

- Créer une lignée de scottish Fold sans introductions de la variété Straight afin d'éviter toutes introductions d'éventuels polygènes (issus du gène TRPV4), que la science actuelle n'est pas capable à ce jour d'identifier selon les informations fournies par les vétérinaires du Conseil Scientifique du Loof,

- Eviter un maximum l'utilisation avec la race British, actuellement autorisée sans pour autant l'exclure,

POUR CE FAIRE :

-Créer une variété straight, non issue de fold, non issue de straight, non issue de persan (comme en Russie), non issue de British, mais travaillée avec les caractéristiques de l'AMERICAN SHORTHAIR (déjà autorisé) , et celles que peuvent apporter la race Bengal pour son côté sportif, athlétiques, avec une musculature puissante et une ossature robuste.

Le but de cette recherche et demande d'autorisation sous appellation RIEX, *puisque toutes les races qui seront utilisées sont connues, reconnues du Loof*, et de trouver des solutions aux faiblesses articulaires du Scottish Fold, évidemment dans l'objectif de son bien-être général.

Il servira également dans une mesure raisonnable à ouvrir le pôle génétique, et d'apporter un nouveau patron (rosettes) dans une couleur déjà connue (Brown spotted).

Je pense qu'il est déraisonnable, en l'état actuel des connaissances sur la valeur « Polygène » de continuer à marier les Fold avec des straight, et qui plus est, apportent plus de consanguinité.

Je pense également que trop de rondeur, et d'épaisseur osseuse , (apportée par le British), et de sur-type (apportée par les mariages Persans non réellement dévoilés à travers nos importations) ne font que nuire au gainage très important dont les Scottish fold ont besoin avant toute chose.

Il n'est pas impossible de garder une certaine rondeur et expression, par des mariages intelligents en prenant des individus correspondants au plus près du standard actuel. Mais il faudra des intervenants plus athlétiques et plus musclés afin de sauvegarder le gène fold avec tous ces avantages et inconvénients.

b. Historique succinct de la race.

- En France. Les scottish ont été mariés avec le British pour leur rondeur jusqu'en 2009, puis également avec l'américain shorthair pour une ouverture du pôle génétique avec une traçabilité sur la base du déclaratif par le LOOF jusqu'au 1^{er} juillet 2020. Depuis 2019 tous les reproducteurs doivent fournir leur statut génétique (carte ADN, Test TRPV4, PKD, ce que je trouve normal et obligatoire Malheureusement depuis 2020, les déclarations des éleveurs sont mises en doute, et des filiations leur sont imposées pour l'obtention des pedigrees des chatons.)

- A l'étranger.

Quant à l'étranger, nous ne savons absolument « RIEN », des pratiques et des mariages (vu les différences de TYPES, QUE NOUS IMPORTONS), si ce n'est ce que les autres fédérations valident selon le principe du Déclaratif.

4) Programme :

a. Sujets de la race d'origine utilisés : SCOTTISH FOLD

SFS1

MIMOSA DE DICXILAND

Nom du père : DIAM-AND GENRIX SFL

Nom de la mère : LADY GREEN DE DICXILAND BRI SH

Naissance : 07/07/2016

Race : Scottish Fold

Robe : noir & blanc

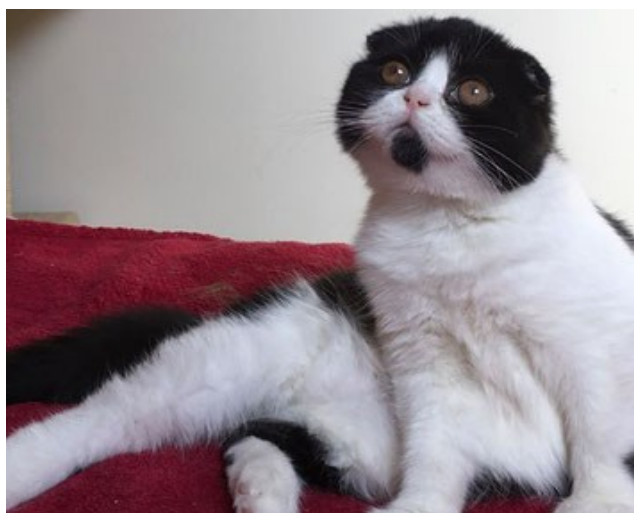
Pedigree : LOOF 2016.28536

Identification : 250269606719660

Sexe : Femelle

Test de santé : TRPV4 PKD

Identification génétique : OUI



Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO	Code ADN : FC25948
	Nom : MIMOSA DE DICXILAND
	Identification : 250269606719660
	Race : SFS:Scottish Fold
	Sexe : Femelle
Date de naissance : 07/07/2016	

Genindexe
La génétique à votre service

FCA026	148/150	FCA069	107/113	FCA075	134/134	FCA105	195/197
FCA149	128/128	FCA201	159/159	FCA220	208/212	FCA229	168/168
FCA293	187/191	FCA310	120/138	FCA441	155/159	FCA453	188/188
FCA649	126/140	FCA678	190/190	ZSRV	X/X		

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge
Elevage : Mr ATLAN Serge
Demandeur : ATLAN Serge
Organisation : PRO
Préleveur : ZUSATZ Marie (17559)
Date de prélèvement : 05/11/2019
Nombre de prélèvements : 5
Espèce : CHAT
Date de naissance : 07/07/2016
Remarques : LOOF: 2016.28536

Mr ATLAN Serge
CHATTERIE DE DICXILAND
968 Route de Flouville
28270 MONTIGNY SUR AVRE
Date de réception : 08/11/2019
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : SFS - Scottish Fold
Sexe : Femelle

Test FOLD Date d'exécution : 13/11/2019

Identification	Autres informations	Résultat
2 Code ADN : FC25948 Nom : MIMOSA DE DICXILAND Puce : 250269606719660	LOOF: 2016.28536	Hétérozygote Fold (+/-)

La présence de la mutation c.1024G>T, présente sur le gène TRP14 est recherchée. Cette mutation est responsable du phénotype « oreilles pliées » chez les chats de race Scottish et Highland. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante, c'est-à-dire que les individus ayant reçu un seul allèle fold auront les oreilles pliées. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés n'auront les oreilles droites (straight). Les individus porteurs de deux copies de la mutation fold peuvent être sujets à des problèmes de santé graves affectant le cartilage et les os.
Génotype +/- : chat non porteur de fold, le chat aura les oreilles droites; Génotype +/- : chat porteur d'un allèle fold, le chat aura les oreilles pliées; Génotype -/- : chat homozygote porteur de 2 allèles fold, le chat aura les oreilles pliées et pourra présenter des malformations.

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge
Elevage : Mr ATLAN Serge
Demandeur : ATLAN Serge
Organisation : PRO
Préleveur : ZUSATZ Marie (17559)
Date de prélèvement : 05/11/2019
Nombre de prélèvements : 5
Espèce : CHAT
Date de naissance : 07/07/2016
Remarques : LOOF: 2016.28536


Mr ATLAN Serge
CHATTERIE DE DICXILAND
968 Route de Flouville
28270 MONTIGNY SUR AVRE
Date de réception : 08/11/2019
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : SFS - Scottish Fold
Sexe : Femelle

Polykystose rénale (PKD) Date d'exécution : 13/11/2019

Identification	Autres informations	Résultat
2 Code ADN : FC25948 Nom : MIMOSA DE DICXILAND Puce : 250269606719660	LOOF: 2016.28536	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation c.1005C>A présente sur le gène PKD1 est recherchée. Cette mutation est responsable de la polykystose rénale (PKD) chez de nombreuses races de chats, incluant : Persans, Exotics, British shorthair et longhair, Burmés, Scottish fold, Highland fold, Selkirk, Ragdoll, et races apparentées. Le laboratoire décline toute responsabilité quant à l'interprétation d'un résultat de cette analyse réalisée sur une autre race que celles listées ci-dessus.
Pour des raisons de pertinence, ne seront mentionnés sur les pedigrees que les résultats des pathologies reportées pour la race telles qu'elles ont été validées par le conseil scientifique du LOOF. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante. Les individus ayant reçu un allèle mute pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/-) sont considérés comme sains.
NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation
PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation
ATTENT (-/-): animal homozygote atteint


Fait à Loudéac, le 15/11/2019

Olivier Triemogean
Technicien PCR


Certificat d'analyse d'identification génétique-ANAACR 01 EN 02-
date: 17/04/2015 - I.R.01
Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Laboratoire Genidex Labofarm, SARL au capital de 42773,50 € - RCS St-Brieuc - Code APE 852Z - N°TVA FR 63378911796
4, rue Théodore Botrel - BP 351 - 22603 LOUDEAC CEDEX - France - Tél. : +33 (0)2 96 28 63 43 - Fax : +33 (0)2 96 66 08 88
Mail : contact@genidex.com - Site : www.genidex.com

Fait à Loudéac, le 15/11/2019

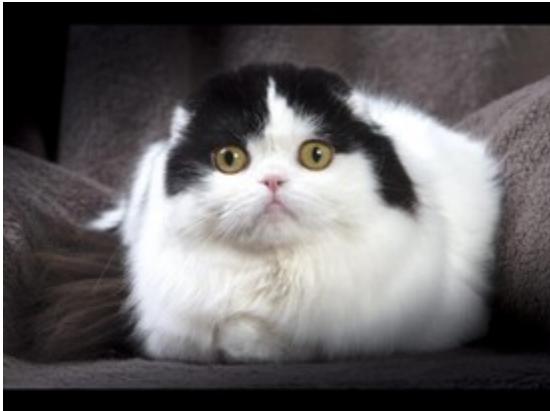
Olivier Triemogean
Technicien PCR


Certificat d'analyse d'identification génétique-ANAACR 01 EN 02-
date: 17/04/2015 - I.R.01
Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Laboratoire Genidex Labofarm, SARL au capital de 42773,50 € - RCS St-Brieuc - Code APE 852Z - N°TVA FR 63378911796
4, rue Théodore Botrel - BP 351 - 22603 LOUDEAC CEDEX - France - Tél. : +33 (0)2 96 28 63 43 - Fax : +33 (0)2 96 66 08 88
Mail : contact@genidex.com - Site : www.genidex.com

MIMOSA EST LA FILLE DE DIAM AND GENRIX IMPORT RUSSIE ET D'UNE BRITISH SH

HIGHLAND FOLD NIVEAU SQR RECOMMANDE 4 // 2022



SFS2

OMEGA DE DICXILAND

Nom du père : ARTEMISIACAT LARRY-OF-DICXILAND **AMS**

Nom mère : MIMOSA DE DICXILAND **SFS**

Naissance : 10/06/2018

Race : Scottish Fold

Robe : black silver blotched tabby

Pedigree : LOOF 2018.36042

Identification : 250269608133064

Sexe : Femelle

Test de santé : TRPV4 PKD

Identification génétique : OUI

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

Code ADN : FC25949

PHOTO

Nom : OMEGA DE DICXILAND

Identification : 250269608133064

Race : SFS:Scottish Fold

Sexe : Femelle

Date de naissance : 10/06/2018

Genindex
LA Génétique à votre service

FCA026	146/148	FCA069	107/107	FCA075	134/136	FCA105	197/197
FCA149	126/132	FCA201	159/159	FCA220	206/212	FCA229	166/168
FCA293	179/187	FCA310	120/138	FCA441	159/159	FCA453	188/196
FCA649	126/136	FCA678	190/198	ZSRV	X/X		



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge
Elevage : Mr ATLAN Serge
Demandeur : ATLAN Serge
Organisation : PRO
Préleveur : ZUSATZ Marie (17559)
Date de prélèvement : 05/11/2019
Nombre de prélèvements : 5
Espèce : CHAT
Date de naissance : 10/06/2018
Remarques : LOOF: 2018.36042

Mr ATLAN Serge
CHATTERIE DE DICHLAND
968 Route de Flouville
28270 MONTIGNY SUR AVRE
Date de réception : 08/11/2019
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : SFS - Scottish Fold
Sexe : Femelle

Test FOLD

Date d'exécution : 13/11/2019

Identification	Autres informations	Résultat
3 Code ADN : FC25949 Nom : OMEGA DE DICHLAND Puce : 250269608133064	LOOF: 2018.36042	Hétérozygote Fold (+/-)

La présence de la mutation c.1034G>T présente sur le gène TRP14 est recherchée. Cette mutation est responsable du phénotype « oreilles pliées » chez les chats de race Scottish et Highland. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante, c'est-à-dire que les individus ayant reçu un seul allèle fold auront les oreilles pliées. Les individus ne possédant pas d'allèle(s) muté(s) auront les oreilles droites (straight). Les individus porteurs de deux copies de la mutation fold peuvent être sujets à des problèmes de santé graves affectant le cartilage et les os.

Genotype +/- : chat non porteur de fold, le chat aura les oreilles droites; Genotype +/+ : chat porteur d'un allèle fold, le chat aura les oreilles pliées; Genotype -/- : chat homozygote porteur de 2 allèles fold, le chat aura les oreilles pliées et pourra présenter des malformations

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge
Elevage : Mr ATLAN Serge
Demandeur : ATLAN Serge
Organisation : PRO
Préleveur : ZUSATZ Marie (17559)
Date de prélèvement : 05/11/2019
Nombre de prélèvements : 5
Espèce : CHAT
Date de naissance : 10/06/2018
Remarques : LOOF: 2018.36042

Mr ATLAN Serge
CHATTERIE DE DICHLAND
968 Route de Flouville
28270 MONTIGNY SUR AVRE
Date de réception : 08/11/2019
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : SFS - Scottish Fold
Sexe : Femelle

Polykystose rénale (PKD)

Date d'exécution : 13/11/2019

Identification	Autres informations	Résultat
3 Code ADN : FC25949 Nom : OMEGA DE DICHLAND Puce : 250269608133064	LOOF: 2018.36042	NORMAL (+/+)


La présence de la mutation c.10063C>A présente sur le gène PKD1 est recherchée. Cette mutation est responsable de la polykystose rénale (PKD) chez de nombreuses races de chats, incluant : Persans, Exotics, British shorthair et longhair, Burmilla, Scottish fold, Highland fold, Selkirk Ragdoll, et races apparentées. Le laboratoire décline toute responsabilité quant à l'interprétation d'un résultat de cette analyse réalisée sur une autre race que celles listées ci-dessus.

Pour des raisons de pertinence, ne seront mentionnés sur les pedigrees que les résultats des pathologies reportées pour la race telles qu'elles ont été validées par le conseil scientifique du LOOF. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante. Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (genotype +/-) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation
PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation
ATEINT (-/-): animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 15/11/2019

Oliver Yermogean
Technicien PCR




Certificat d'analyse d'identification génétique - ANAICR 01 EN 02 -
date: 17/04/2013 - I.R.01
Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Laboratoire Genindexe Labofarm, SARL au capital de 42773,50 € - RCS St-Brieuc - Code APE 852Z - N°TVA FR 63378911796
4, rue Théodore Botrel - BP 351 - 22603 LOUDEAC CEDEX - France - Tél. : +33 (0)2 96 28 63 43 - Fax : +33 (0)2 96 66 08 88
Mail : contact@genindexe.com - Site : www.genindexe.com

Fait à Loudéac, le 15/11/2019

Oliver Yermogean
Technicien PCR



Certificat d'analyse d'identification génétique - ANAICR 01 EN 02 -
date: 17/04/2013 - I.R.01
Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Laboratoire Genindexe Labofarm, SARL au capital de 42773,50 € - RCS St-Brieuc - Code APE 852Z - N°TVA FR 63378911796
4, rue Théodore Botrel - BP 351 - 22603 LOUDEAC CEDEX - France - Tél. : +33 (0)2 96 28 63 43 - Fax : +33 (0)2 96 66 08 88
Mail : contact@genindexe.com - Site : www.genindexe.com

SFS3

NYKOHL 'AS DE DICXILAND

Nom du père : ARTEMISIACAT LARRY-OF-DICXILAND
 Nom de la mère : ILE FLEURY DE DICXILAND
 Naissance : 16/03/2017
 Race : Scottish Fold
 Robe : black silver spotted tabby
 Pedigree : LOOF 2017.17620
 Identification : 250269606783708
 Sexe : Mâle
 Titre :
 Quadruple Champion (LOOF)
 Test de santé :
 GS : N/N
 PKD : N/N
 Fd : N/TRPV4
 Identification génétique : DNA
 Test de surdité : Aucun
Niveau 4 SQR : Recommandé-2022



N° Identification : 250 269 606 783 708
 N° Pedigree : 2017-17620
 Sexe : Mâle
 Date de naissance : 16/03/2017
 27130 Vernouil sur Avre (FR)
 N° officiel du préleveur : 24 638
 N° de dossier : 143 603
 N° animal : 174 345
 Code résultat : 301 643

Identification génétique & groupe sanguin

FC426	FC409	FC405	FC416	FC414	FC421	FC420	FC429
PR	MN	ST	OR	JL	SS	HK	NO
146/150	107/109	136/138	197/203	128/132	159/159	208/214	164/166
FC439	FC410	FC441	FC463	FC464	FC478	25XY	259g
MM	LS	NO	MM	GG	PP	XY	NN
193/193	124/138	159/163	196/196	129/126	198/198	X/Y	233/233

Résultat établi le 01/03/2018
 Certificat édité le 06/03/2018
 Kevin Mornieux
 Analyste en Génétique
 Caroline Dufaure De Citres
 Analyste en Génétique

Explication
 L'empreinte génétique est constituée d'un panel de 15 marqueurs microsatellites reconnus au niveau international et répondant à la norme ISAGP 2014. À chaque locus microsatellite, le chat possède deux allèles symbolisés par une lettre (de A à Z). La présence éventuelle du symbole (c) indique que ce marqueur n'est pas amplifiable ou analysable chez ce chat. La probabilité d'obtenir des empreintes génétiques différentes pour des individus pris au hasard dans la population est supérieure à 99,9%. Le test Groupe Sanguin repose sur la détection de l'allèle b du gène CMAH. Les 3 génotypes possibles sont : (NN) = stérotupe A ou AB, non porteur b - (Nn) = stérotupe A ou AB, porteur b - (nn) = stérotupe B, porteur b. Le laboratoire ANTAGENE met en oeuvre tous les moyens en termes de fiabilité (sensibilité, spécificité), qualité et traçabilité pour garantir le résultat à 99%. Pour le Groupe Sanguin, l'état actuel des connaissances indique que le test génétique ne serait pas concordant avec le test sérologique dans environ 3% des cas.

ANTAGENE SA - LABORATOIRE DE RECHERCHE ET D'ANALYSES EN GÉNOMIQUE ANIMALE
 6 allée du Levant CS 60001 69890 La Tour de Salvagny - France - Tél: +33 (0)4 37 49 90 03 - Fax: +33 (0)4 37 49 04 89
 www.antagene.com - contact@antagene.com

Scottish Fold Result

N/SF

Result Codes:

N/N	No copies of the Fold mutation.
N/SF	Affected - 1 copy of the Fold mutation; cat will have folded ears. Breeding between N/SF cats is expected to produce 25% SF/SF kittens.
SF/SF	Affected - 2 copies of the Fold mutation; cat will have folded ears and may have severe bone and joint issues.

For more information on Scottish Fold test results, please go to:
www.vgl.ucdavis.edu/services/ScottishFold.php



CERTIFICAT GÉNÉTIQUE

Nom : **NykoH'As de Dicxiland**

M. Serge ATLAN
968 rte de Flouville
28270 Montigny sur Avre
FRANCE

Espèce : **Chat**
Race : **Scottish Fold**
N° Identification : **250 269 606 783 708**
N° Pedigree : **2017-17620**

N° de prélèvement : **571 367** (Authentifié)
Type de prélèvement : **Frottis buccal**
Date du prélèvement : **21/02/2018**
Date de demande : **23/02/2018**

Sexe : **Mâle**
Date de naissance : **16/03/2017**

Vétérinaire préleveur :
REY Raphaëlle
27130 Verneuil sur Avre (FR)
N° officiel du préleveur : **24638**

Propriétaire :
ATLAN Serge
28270 Montigny sur Avre (FR)
N° Client : **C40493**

N° de dossier : **143 603**
N° animal : **174 345**
Code résultat : **301649**

Polykystose Rénale (PKD)

Résultat : **Homozygote normal**

Interprétation : L'animal possède deux copies normales du gène PKD1. L'animal ne développera pas une polykystose rénale. L'animal ne transmettra pas la mutation à sa descendance.

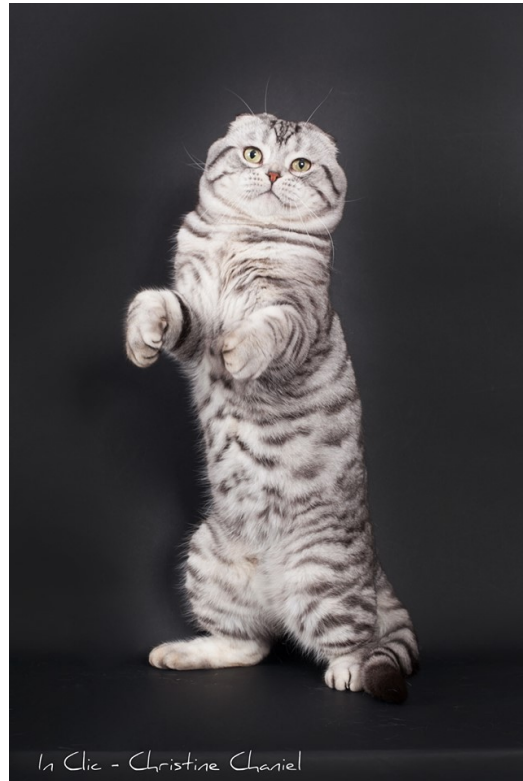
Résultat établi le 01/03/2018
Certificat édité le 01/03/2018

Kevin Mornieux
Analyste en Génétique

Caroline Dufauré De Citres
Analyste en Génétique

Explication
Ce test PKD est spécifique de la polykystose rénale chez le chat. Le test repose sur la détection de la forme normale du gène PKD1 et de la seule forme défectueuse connue à ce jour. Le test n'est pas utilisable pour détecter d'autres formes héréditaires de polykystose rénale, d'autres formes héréditaires de maladie rénale ou d'autres affections rénales acquises durant la vie de l'animal.

Le laboratoire ANTAGENE met en oeuvre tous les moyens en termes de fiabilité (sensibilité, spécificité), qualité et traçabilité pour garantir le résultat à 99%.



**NYKOH LAS DE DICXILAND EST LE FILS DE ILE FLEURY DE DICXILAND
NIVEAU 4 SQR RECOMMANDÉE 2022**



b. Sujets introduits : RACE BENGAL + AMERICAN SH

1/ BASE BENGAL


Sujet BEN1

GOLDENBREED THOR OF DICXILAND

Nom du père : MANGOSTEEN GUTO
Nom de la mère : BENAREAL MIRANDA OF GOLDENBREED
Naissance : 31/12/2017
Race : Bengal
Robe : brown spotted tabby (rosettes)
Pedigree : TICA SBT 123117 028
Certificat d'enregistrement : 2018CE.868
Identification : 643099100010574
Sexe : Mâle
Champion (LOOF)
Test de santé :
PKDef TEST Pra en cours
Identification génétique : DNA
Niveau SQR : Sélectionné-2019



Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO	Code ADN : FC19092
	Nom : GOLDENBREED THOR OF DICXILAND
	Identification : 643099100010574
	Race : BEN:Bengal
	Sexe : Mâle
Genindex La Génétique à votre service	Date de naissance : 31/12/2017

FCA026	138/140	FCA069	107/107	FCA075	130/130	FCA105	197/197
FCA149	128/128	FCA201	143/159	FCA220	212/212	FCA229	166/170
FCA293	187/191	FCA310	136/136	FCA441	157/163	FCA453	192/196
FCA649	130/136	FCA678	190/192	ZSRY	X/Y		

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge	Mr ATLAN Serge
Elevage :	CHATTERIE DE DICXILAND
Demandeur : ATLAN Serge	968 Route de Flouville
Organisation : PRO	28270 MONTIGNY SUR AVRE
Préleveur : MANUEL HARDEL Séverine (16964)	
Date de prélèvement : 09/12/2018	Date de réception : 13/12/2018
Nombre de prélèvements : 3	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : BEN - Bengal
Date de naissance : 31/12/2017	Sexe : Mâle
Remarques : TICA SBT 123117028	

Identification génétique par ADN



Date d'exécution : 19/12/2018

Identification : GOLDENBREED THOR OF DICXILAND/643099100010574 - Code ADN : FC19092									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
138/140	107/107	130/130	197/197	128/128	143/159	212/212	166/170	187/191	136/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
157/163	192/196	130/136	190/192	XY					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO

Genindexe
La génétique à votre service

Code ADN : FC19092

Nom : GOLDENBREED THOR OF DICXILAND

Identification : 643099100010574

Race : BEN:Bengal

Sexe : Mâle


Date de naissance : 31/12/2017

FCA026	138/140	FCA069	107/107	FCA075	130/130	FCA105	197/197
FCA149	128/128	FCA201	143/159	FCA220	212/212	FCA229	166/170
FCA293	187/191	FCA310	136/136	FCA441	157/163	FCA453	132/196
FCA649	130/136	FCA678	190/192	ZSRY	XY		

Fait à Loudéac, le 31/12/2018

Certificat d'analyse d'identification génétique- ANAACR 01 EN 02-
date:17/04/2013 - I.R:01
Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Olivier Yvernogeu
Technicien PCR



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge	Mr ATLAN Serge
Elevage :	CHATTERIE DE DICXILAND
Demandeur : ATLAN Serge	968 Route de Flouville
Organisation : PRO	28270 MONTIGNY SUR AVRE
Préleveur : MANUEL HARDEL Séverine (16964)	
Date de prélèvement : 09/12/2018	Date de réception : 13/12/2018
Nombre de prélèvements : 2	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : BEN - Bengal
Date de naissance : 31/12/2017	Sexe : Mâle
Remarques : TICA SBT 123117028	

Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Date d'exécution : 19/12/2018

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC19092 Nom : GOLDENBREED THOR OF DICXILAND Puce : 643099100010574	TICA SBT 123117028	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation c.693+304G>A présente sur le gène PKLR est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 27/12/2018

Anne-Sophie Guymard
Technicienne PCR



Le compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

KIRA MURBENMIR

Nom du père : ELVIS

Nom de la mère : AMALIYA-EVA-MURBENMIR

Naissance : 12/06/2018

Race : Bengal

Robe : brown tabby (motif spotted/rosettes)

Pedigree : WCF RU-0184/H-0023-5175-18

Certificat d'enregistrement : 2018CE.1402

Identification : 643093330012265

Sexe : Femelle

Test de santé :

PKDef : N/N pra ... en cours

Identification génétique : DNA



Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO	Code ADN : FC19093
	Nom : KIRA MURBENMIR
	Identification : 643093330012265
	Race : BEN:Bengal
	Sexe : Femelle
Genindexe <small>La Génétique à votre service</small>	Date de naissance : 12/06/2018



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge	Mr ATLAN Serge
Elevage :	CHATTERIE DE DICXILAND
Demandeur : ATLAN Serge	968 Route de Flouville
Organisation : PRO	28270 MONTIGNY SUR AVRE
Préleveur : MANUEL HARDEL Séverine (16964)	
Date de prélèvement : 09/12/2018	Date de réception : 13/12/2018
Nombre de prélèvements : 2	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : BEN - Bengal
Date de naissance : 12/06/2018	Sexe : Femelle
Remarques : WCFRU 0184/H-0023-5175-18	

Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Date d'exécution : 19/12/2018

Identification	Autres informations	Résultat
2 Code ADN : FC19093 Nom : KIRA MURBENMIR Puce : 643093330012265	WCFRU 0184/H-0023-5175-18	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation c.693+304G>A présente sur le gène PKLR est recherchée.
Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptian, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.
Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation
PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation
ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 27/12/2018

Anne-Sophie Guyomard
Technicienne PCR



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge	Mr ATLAN Serge
Elevage :	CHATTERIE DE DICXILAND
Demandeur : ATLAN Serge	968 Route de Flouville
Organisation : PRO	28270 MONTIGNY SUR AVRE
Préleveur : MANUEL HARDEL Séverine (16964)	
Date de prélèvement : 09/12/2018	Date de réception : 13/12/2018
Nombre de prélèvements : 3	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : BEN - Bengal
Date de naissance : 12/06/2018	Sexe : Femelle
Remarques : WCFRU 0184/H-0023-5175-18	

Identification génétique par ADN

Date d'exécution : 19/12/2018

Identification : KIRA MURBENMIR/643093330012265 - Code ADN : FC19093									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
156/156	103/107	130/134	197/203	128/130	159/159	214/214	168/168	191/191	136/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
157/163	192/204	130/138	190/192	X/X					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO

Code ADN : FC19093

Nom : KIRA MURBENMIR

Identification : 643093330012265

Race : BEN-Bengal

Sexe : Femelle

Date de naissance : 12/06/2018




Genindexe

FCA026	156/156	FCA069	103/107	FCA075	130/134	FCA105	197/203
FCA149	128/130	FCA201	159/159	FCA220	214/214	FCA229	168/168
FCA293	191/191	FCA310	136/136	FCA441	157/163	FCA453	192/204
FCA649	130/138	FCA678	190/192	ZSRY	X/X		

Fait à Loudéac, le 31/12/2018

Certificat d'analyse d'identification génétique- ANAACR 01 EN 02-
date:17/04/2013 - I.R:01
Le compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé
photographique intégral.

Olivier Yvernogeu
Technicien PCR



NICXIA IL GATTOPARDO

Nom du père : GURU
SCHROEDINGER

Nom de la mère : LEOCAT'S
JAGUAR

Naissance : 10/06/2017

Race : Bengal

Robe : brown tabby (motif
spotted/rosettes)

Pedigree : LOOF 2017.26698

Identification :
250269606906631

Sexe : Femelle

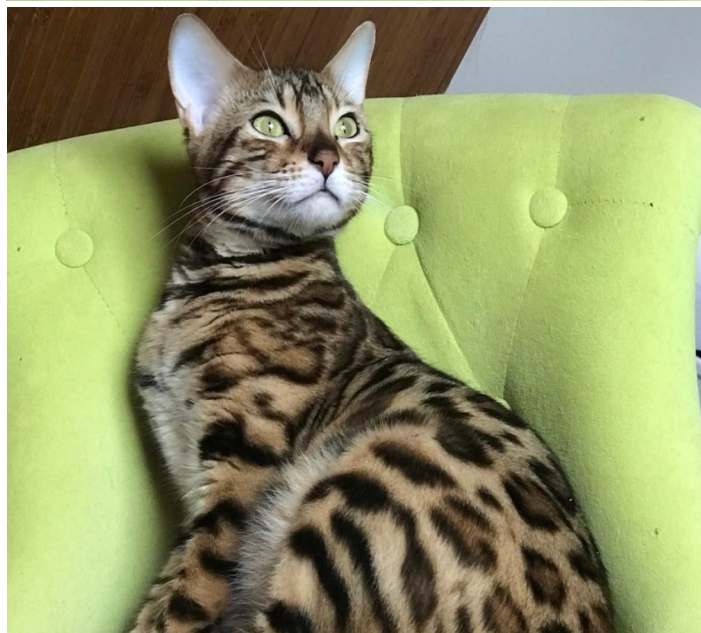
Champion (LOOF)

Test de santé :

PKDef : N/N test Pra cours

Identification génétique : DNA

Niveau SQR : Sélectionné-
2018



Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO	Code ADN : FC16693
	Nom : NICXIA IL GATTOLARDO
	Identification : 250269606906631
	Race : BEN:Bengal
	Sexe : Femelle
Date de naissance : 10/06/2017	

Genidex
La Génétique à votre service

FCA026	144/144	FCA069	107/109	FCA075	130/130	FCA105	197/203
FCA149	128/128	FCA201	147/159	FCA220	211/216	FCA229	166/166
FCA293	185/187	FCA310	124/136	FCA441	153/155	FCA453	192/192
FCA649	130/130	FCA678	192/198	ZSRY	XX		



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge	Mr ATLAN Serge
Eléve :	968 Route de Flouville
Demandeur : ATLAN Serge	
Organisation :	28270 BREZOLLES
Préleveur : ROBINEAU Brice (9425)	
Date de prélèvement : 21/04/2018	Date de réception : 30/04/2018
Nombre de prélèvements : 1	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : BEN - Bengal
Date de naissance : 10/06/2017	Sexe : Femelle

Identification génétique par ADN

Date d'exécution : 04/05/2018

Identification : NICXIA IL GATTOLARDO/250269606906631 - Code ADN : FC16693									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
144/144	107/109	130/130	197/203	128/128	147/159	211/216	166/166	185/187	124/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
153/155	192/192	130/130	192/198	X/X					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR03) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO	Code ADN : FC16693
	Nom : NICXIA IL GATTOLARDO
	Identification : 250269606906631
	Race : BEN:Bengal
	Sexe : Femelle
Genindexe <small>La génétique à votre service</small>	Date de naissance : 10/06/2017

FCA026	144/144	FCA069	107/109	FCA075	130/130	FCA105	197/203
FCA149	128/128	FCA201	147/159	FCA220	211/216	FCA229	166/166
FCA293	185/187	FCA310	124/136	FCA441	153/155	FCA453	192/192
FCA649	130/130	FCA678	192/198	ZSRY	X/X		

Certificat d'analyse d'identification génétique- ANAACR 01 EN 02-
date:17/04/2013 - I.R.:01
Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 15/05/2018

Anne-Sophie Giryomard
Technicienne PCR



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge	Mr ATLAN Serge
Elevage :	968 Route de Flourville
Demandeur : ATLAN Serge	28270 BREZOLLES
Organisation :	
Préleveur : ROBINEAU Brice (9425)	
Date de prélèvement : 21/04/2018	Date de réception : 30/04/2018
Nombre de prélèvements : 1	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : BEN - Bengal
Date de naissance : 10/06/2017	Sexe : Femelle

Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Date d'exécution : 04/05/2018

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC16693 Nom : NICXIA IL GATTOLARDO Puce : 250269606906631		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation c.693+304G>A présente sur le gène PKLR est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapour, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 15/05/2018

Anne-Sophie Guyomard
Technicienne PCR



*Le compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé
photographique intégral.*

Sujet AMS1

OTHYS DE DICXILAND

Nom du père : MOJITO DE LA
GUILLAUMIERE DES MAUVES
Nom de la mère : ARTEMISIACAT
VENUS-OF-DICXILAND
Naissance : 24/03/2018
Race : American Shorthair
Robe : black silver blotched tabby
Pedigree : LOOF 2018.25187 RIEX4
Identification :
Sexe : Mâle
Double Champion (LOOF)
Test de santé : PKD + TRPV4
Identification génétique : DNA

Niveau 4 SQR : Recommandé-2022

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO	Code ADN : FC22340
	Nom : OTHYS DE DICXILAND
	Identification : 250269811472531
	Race : AMS:American Shorthair
	Sexe : Mâle
Genindexe La Génétique à votre service	Date de naissance : 24/03/2018

FCA026	146/150	FCA069	107/109	FCA075	136/138	FCA105	195/199
FCA149	##	FCA201	155/159	FCA220	214/214	FCA229	162/166
FCA293	187/193	FCA310	124/136	FCA441	163/163	FCA453	188/196
FCA649	126/126	FCA678	190/190	ZSRY	X/Y		



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge	Mr ATLAN Serge
Elevage :	CHATTERIE DE DICXILAND
Demandeur : ATLAN Serge	968 Route de Flouville
Organisation : PRO	28270 MONTIGNY SUR AVRE
Préleveur : LE GROU Stéphane (17490)	
Date de prélèvement : 25/03/2019	Date de réception : 28/03/2019
Nombre de prélèvements : 1	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : AMS - American Shorthair
Date de naissance : 24/03/2018	Sexe : Mâle

Remarques : LOOF: 2018.25187 RIEX4


Identification génétique par ADN

Date d'exécution : 04/04/2019

Identification : OTHYS DE DICXILAND/250269811472531 - Code ADN : FC22340									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
146/150	107/109	136/138	195/199	##	155/159	214/214	162/166	187/193	124/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
163/163	188/196	126/126	190/190	X/Y					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO	Code ADN : FC22340
	Nom : OTHYS DE DICXILAND
	Identification : 250269811472531
	Race : AMS:American Shorthair
	Sexe : Mâle
Genindexe	Date de naissance : 24/03/2018

FCA026	146/150	FCA069	107/109	FCA075	136/138	FCA105	195/199
FCA149	##	FCA201	155/159	FCA220	214/214	FCA229	162/166
FCA293	187/193	FCA310	124/136	FCA441	163/163	FCA453	188/196
FCA649	126/126	FCA678	190/190	ZSRY	X/Y		

Fait à Loudéac, le 11/04/2019

Olivier Yvernogeu
Technicien PCR



Certificat d'analyse d'identification génétique- ANAACR 01 EN 02-
date:17/04/2013 - LR:01
Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé
photographique intégral.

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge	Mr ATLAN Serge
Elevage :	CHATTERIE DE DICXILAND
Demandeur : ATLAN Serge	968 Route de Flouville
Organisation : PRO	28270 MONTIGNY SUR AVRE
Préleveur : LE GROU Stéphane (17490)	
Date de prélèvement : 25/03/2019	Date de réception : 28/03/2019
Nombre de prélèvements : 1	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : AMS - American Shorthair
Date de naissance : 24/03/2018	Sexe : Mâle
Remarques : LOOF: 2018.25187 RIEX4	

Polykystose rénale (PKD)

Date d'exécution : 04/04/2019

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC22340 Nom : OTHYS DE DICXILAND Puce : 250269811472531	LOOF: 2018.25187 RIEX4	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation c.10063C>A présente sur le gène PKD1 est recherchée.
Cette mutation est responsable de la polykystose rénale (PKD) chez de nombreuses races de chats, incluant : Persans, Exotics, British shorthair et longhair, Burmillas, Scottish fold, Highland fold, Selkirk, Ragdoll, et races apparentées. Le laboratoire décline toute responsabilité quant à l'interprétation d'un résultat de cette analyse réalisée sur une autre race que celles listées ci-dessus.
Pour des raisons de pertinence, ne seront mentionnés sur les pedigrees que les résultats des pathologies répertoriées pour la race telles qu'elles ont été validées par le conseil scientifique du LOOF. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation
PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation
ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 11/04/2019

Olivier Yvernogeu
Technicien PCR



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge
Elevage : Mr ATLAN Serge
Demandeur : ATLAN Serge
Organisation : PRO
Préleveur : REY Raphaëlle (24638)

Mr ATLAN Serge
CHATTERIE DE DICXILAND
968 Route de Flouville
28270 MONTIGNY SUR AVRE

Date de prélèvement : 07/11/2019
Nombre de prélèvements : 2
Espèce : CHAT
Date de naissance : 24/03/2018

Date de réception : 21/11/2019
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : AMS - American Shorthair
Sexe : Mâle

Remarques : LOOF: 2018.25187 RIEX4

Test FOLD

Date d'exécution : 25/11/2019

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC26114 Nom : OTHYS DE DICXILAND Puce : 250269811472531	LOOF: 2018.25187 RIEX4	Homozygote non porteur de Fold (+/+)

La présence de la mutation c.1024G>T présente sur le gène TRPV4 est recherchée. Cette mutation est responsable du phénotype « oreilles pliées » chez les chats de race Scottish et Highland. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante, c'est-à-dire que les individus ayant reçu un seul allèle fold auront les oreilles pliées. Les individus ne possédant pas d'allèle(s) muté(s) auront les oreilles droites (straight). Les individus porteurs de deux copies de la mutation fold peuvent être sujets à des problèmes de santé graves affectant le cartilage et les os.

Génotype +/+ : chat non porteur de fold, le chat aura les oreilles droites; Génotype +/- : chat porteur d'un allèle fold, le chat aura les oreilles pliées; Génotype -/- : chat homozygote porteur de 2 allèles fold, le chat aura les oreilles pliées et pourra présenter des malformations

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

Fait à Loudéac, le 29/11/2019

Olivier Yvernogeu
Technicien PCR



Sujet AMS2

MOJITO DE LA GUILLAUMIERE DES MAUVES

Nom du père : BEAUCHADOR BELLAGIO

Nom de la mère : BEAUCHADOR
SPECIALIZED SILVER

Naissance : 15/06/2016

Race : American Shorthair

Robe : black silver spotted tabby

Pedigree : LOOF 2016.23879 RIEX3

Identification : 250269606750126

Sexe : Mâle

Double Champion (LOOF)

Test de santé : PKD + TRPV4

Identification génétique : DNA

Niveau 4 SQR : Recommandé-2022

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO	Code ADN : FC23327
	Nom : MOJITO DE LA GUILLAUMIERE DES MAUVES
	Identification : 250269606750126
	Race : AMS:American Shorthair
	Sexe : Mâle
 Genindexe La Génétique à votre service	Date de naissance : 15/06/2016

FCA026	146/150	FCA069	109/109	FCA075	136/138	FCA105	195/197
FCA149	124/132	FCA201	155/155	FCA220	214/214	FCA229	166/168
FCA293	187/193	FCA310	128/136	FCA441	163/163	FCA453	196/196
FCA649	126/126	FCA678	190/198	ZSRY	X/Y		



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge	Mr ATLAN Serge
Elevage :	CHATTERIE DE DICXILAND
Demandeur : ATLAN Serge	968 Route de Flouville
Organisation : PRO	28270 MONTIGNY SUR AVRE
Préleveur : REY Raphaëlle (24638)	
Date de prélèvement : 06/06/2019	Date de réception : 11/06/2019
Nombre de prélèvements : 1	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : AMS - American Shorthair
Date de naissance : 15/06/2016	Sexe : Mâle

Remarques : LOOF: 2016.23879

Identification génétique par ADN

Date d'exécution : 14/06/2019

Identification : MOJITO DE LA GUILLAUMIERE DES MAUVES/250269606750126 - Code ADN : FC23327									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
148/150	109/109	138/138	195/197	124/132	155/155	214/214	166/168	187/193	128/138
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
163/163	198/196	126/126	190/198	X/Y					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO



Code ADN : FC23327

Nom : MOJITO DE LA GUILLAUMIERE DES MAUVES

Identification : 250269606750126

Race : AMS:American Shorthair

Sexe : Mâle

Date de naissance : 15/06/2016

FCA026	148/150	FCA069	109/109	FCA075	138/138	FCA105	195/197
FCA149	124/132	FCA201	155/155	FCA220	214/214	FCA229	166/168
FCA293	187/193	FCA310	128/138	FCA441	163/163	FCA453	198/196
FCA649	126/126	FCA678	190/198	ZSRY	X/Y		

Certificat d'analyse d'identification génétique- ANACR 01 EN 02-
date:17/04/2013 - I.R.:01
Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 24/06/2019

Olivier Yvernogeu
Technicien PCR



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge	Mr ATLAN Serge
Elevage :	CHATTERIE DE DICXILAND
Demandeur : ATLAN Serge	968 Route de Flouville
Organisation : PRO	28270 MONTIGNY SUR AVRE
Préleveur : REY Raphaëlle (24638)	
Date de prélèvement : 06/06/2019	Date de réception : 11/06/2019
Nombre de prélèvements : 1	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : AMS - American Shorthair
Date de naissance : 15/06/2016	Sexe : Mâle
Remarques : LOOF: 2016.23879	

Polykystose rénale (PKD)

Date d'exécution : 14/06/2019

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC23327 Nom : MOJITO DE LA GUILLAUMIERE DES MAUVES Puce : 250269606750126	LOOF: 2016.23879	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation c.10063C>A présente sur le gène PKD1 est recherchée.
Cette mutation est responsable de la polykystose rénale (PKD) chez de nombreuses races de chats, incluant : Persans, Exotics, British shorthair et longhair, Burmillas, Scottish fold, Highland fold, Selkirk, Ragdoll, et races apparentées. Le laboratoire décline toute responsabilité quant à l'interprétation d'un résultat de cette analyse réalisée sur une autre race que celles listées ci-dessus.
Pour des raisons de pertinence, ne seront mentionnés sur les pédigrées que les résultats des pathologies répertoriées pour la race telles qu'elles ont été validées par le conseil scientifique du LOOF. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation
PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation
ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Certificat d'analyse d'identification génétique ANAACR 01 EN 02-
date:17/04/2013 - LR:01
Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 24/06/2019

Olivier Yvernogeu
Technicien PCR



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge	Mr ATLAN Serge
Elevage :	CHATTERIE DE DICXILAND
Demandeur : ATLAN Serge	968 Route de Flouville
Organisation : PRO	28270 MONTIGNY SUR AVRE
Préleveur : REY Raphaëlle (24638)	
Date de prélèvement : 06/06/2019	Date de réception : 11/06/2019
Nombre de prélèvements : 1	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : AMS - American Shorthair
Date de naissance : 15/06/2016	Sexe : Mâle
Remarques : LOOF: 2016.23879	

Test FOLD

Date d'exécution : 14/06/2019

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC23327 Nom : MOJITO DE LA GUILLAUMIERE Puce : 250269606750126	LOOF: 2016.23879	Homozygote non porteur de Fold (+/+)

La présence de la mutation c.1024G>T présente sur le gène TRPV4 est recherchée. Cette mutation est responsable du phénotype « oreilles pliées » chez les chats de race Scottish et Highland. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante, c'est-à-dire que les individus ayant reçu un seul allèle fold auront les oreilles pliées. Les individus ne possédant pas d'allèle(s) muté(s) auront les oreilles droites (straight). Les individus porteurs de deux copies de la mutation fold peuvent être sujets à des problèmes de santé graves affectant le cartilage et les os.

Génotype +/+ : chat non porteur de fold, le chat aura les oreilles droites; Génotype +/- : chat porteur d'un allèle fold, le chat aura les oreilles pliées; Génotype -/- : chat homozygote porteur de 2 allèles fold, le chat aura les oreilles pliées et pourra présenter des malformations

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

Fait à Loudéac, le 24/06/2019

Olivier Yvernogeu
Technicien PCR



Sujet AMERICAN FEMELLES PREVUES SUR BENGAL EN VUE CREATION STRAIGHT (non issus de fold , non issus de straight)

SUJETS : AMS F1 / AMS F2 / AMS F3

PEPSY DE DICXILAND

Nom du père : OTHYS DE DICXILAND
Nom de la mère : OUPS DE DICXILAND
Naissance : 13/09/2019
Race : American Shorthair
Robe : black silver blotched tabby
Pedigree : LOOF 2019.40426 RIEX4

POPPIES DE DICXILAND

Nom du père : OTHYS DE DICXILAND
Nom de la mère : OUPS DE DICXILAND
Naissance : 13/09/2019
Race : American Shorthair
Robe : black silver blotched tabby
Pedigree : LOOF 2019.40429 RIEX4

SILEXE DE DICXILAND

Nom du père : GOLD BASTET ALEX
Nom de la mère : PEPSY DE DICXILAND
Naissance : 19/05/2021
Race : American Shorthair
Robe : black silver blotched tabby
Pedigree : LOOF 2021

SPLASH DE DICXILAND

Nom du père : GOLD BASTET ALEX
Nom de la mère : PEPSY DE DICXILAND
Naissance : 19/05/2021
Race : American Shorthair
Robe : black silver blotched tabby
Pedigree : LOOF 2021



A / Croisements envisagés. Création des premières génération Fold issues de Bengal+fold

1. Un premier croisement a déjà été effectué entre Omega (SFS) et Thor (BEN)
2 CHATONS FOLD sont gardés que j'appellerai :

-SBM1 pour le mâle et SBF2 pour la femelle
une DSN sera envoyée dès l'identification des chatons et filiation avec les parents
2. Croisement entre SBM1 ou SBF1 et american donneront SABM SABF dans un deuxième temps
3. Croisement entre SABM SABF et dans un 3 ème temps

B/ Croisements envisagés. Création des premières générations Straight issues de Bengal+American

Voir tableau plus bas

Ces auxiliaires straight seront remariés à la troisième génération fold

A chaque mariage la filiation sera faite avec les parents testés auparavant pour chaque maladie connues à leur espèces.

AVENANT à la procédure des mariages envisagés

1/-les sujets

Sujets Mâles Americans :

Othys de dicxiland BLACK SILVER BLOTCHED (MOJITO X ARTEMISIACAT VENUS OF DICXILAND)	AMS1
Mojito de la guillaumière des mauves Black silver spotted	AMS2
Golden Bastet Alex BLACK SILVER BLOTCHED	AMS3
<u>Sujets BENGAL :</u>	
Goldenbreed Thor of Dicxiland	BEN1
Murbenmir Kira	BEN2
Nicxia Il Gatto Pardo	BEN3
<u>Sujets Scottish fold :</u>	
Nykohl'as de Dicxiland (Artemisiacat larry of dicxiland « AMS » X Ile fleury de dicxiland « SFL »)	SFS3
Mimosa de Dicxiland (Diam and gernix « SFL » X Lady blue de dicxiland « brit »)	SFS2
Omega de Dicxiland (Artemisiacat larry of dicxiland « AMS »,X Mimosa de dicxiland « sfs »)	SFS1

<u>Sujets Femelles Americains :</u>		
Pepsy de Dicxiland (femelle black silver blotched) (Othys X OUPS de dicxiland)		AMS F1
Poppies de Dicxiland (femelle black silver blotched)(Othys X OUPS de dicxiland)		AMS F2
<u>Sujet British :</u>		
Regliss d'ombre et Lumière (femelle black silver blotched)		BRIT F
Rocco d'ombre et Lumière (mâle black silver blotched)		BRIT M

Ci dessus figurent les sujets en ma possession dont le choix a été selon le gabarit, la meilleur rondeur, et le standard le plus proche du scottish. D'autres sujets non encore acquis ou provenant du travail d'autres élevages peuvent être envisagés et ajoutés au fur et à mesure du travail et des résultats.

Tableau des sigles

AMERICAN SH MALE	AMS 1	SB	SCOTTISH FOLD ISSU DE BENGAL
BENGAL MALE	BEN 1	SAB	SCOTTISH FOLD + BENGAL + AMERICAN
BENGAL FEMELLE 1	BEN 2	BAM	AUXILIAIRE Male ISSUS DE BENGAL X AMS
BENGAL FEMELLE 2	BEN 3	BAF	AUXILIAIRE femelle ISSUS DE BENGAL X AMS
SCOTTISH FOLD FEMELLE 1	SFS 1	SFS *	SCOTTISH FOLD GENERATION 3
SCOTTISH FOLD FEMELLE 2	SFS 2	SFS **	SCOTTISH FOLD GENERATIO 4
SCOTTISH FOLD MALE 1	SFS 3	SFS #	SCOTTISH FOLD GENERATIO 5
AMERICAN SH FEMELLE 1	AMS F1	SFS ##	SCOTTISH FOLD GENERATIO 6
AMERICAN SH FEMELLE 2	AMS F2		
BRITISH	BRIT		

APPELLATION et RESULTATS DES MARIAGES dans l'ordre des croisements envisagés

Tous les straight seront écartés des remariages et donc seuls les fold seront gardés et remariés

donc pour LE MARIAGE 1 déjà effectué / puis le 2 et 3 avec schéma identique

	MALES	FEMELLES
BEN1 X SFS1 =	SB M1	SB F1
AMS1 X SB F1 ou AMS F1 X SB M1	SAB M2	SAB F2
BEN2 ou BEN3 X AMS création de straight sans scottish	BAM	BAF
SAB M2 ou SAB F2 X BAM ou BAF	SFS*M3	SFS*F3
SFS* X BRIT	SFS**M4	SFS**F4
SFS** X AMS	SFS# M5	SFS#F5
SFS# X BAM ou BAF	SFS## M6	SFS## F6

2/- les mariages

Je travaille sur 3 couples différents et il y aura donc une recherche et un travail en fonction des résultats sur chacun des couples de base .

Les chatons issus de ces mariages ne seront pas mariés entre eux puisque de toute façon je ne garde que les fold

Couple 1 : déjà effectué femelle Scottish fold 1 x mâle bengal 1

Couple 2 : femelle Scottish fold 2 x mâle bengal 1 même schéma de mariage

Couple 3 : Scottish fold mâle x bengal femelle 1 ou 2 même schéma de mariage

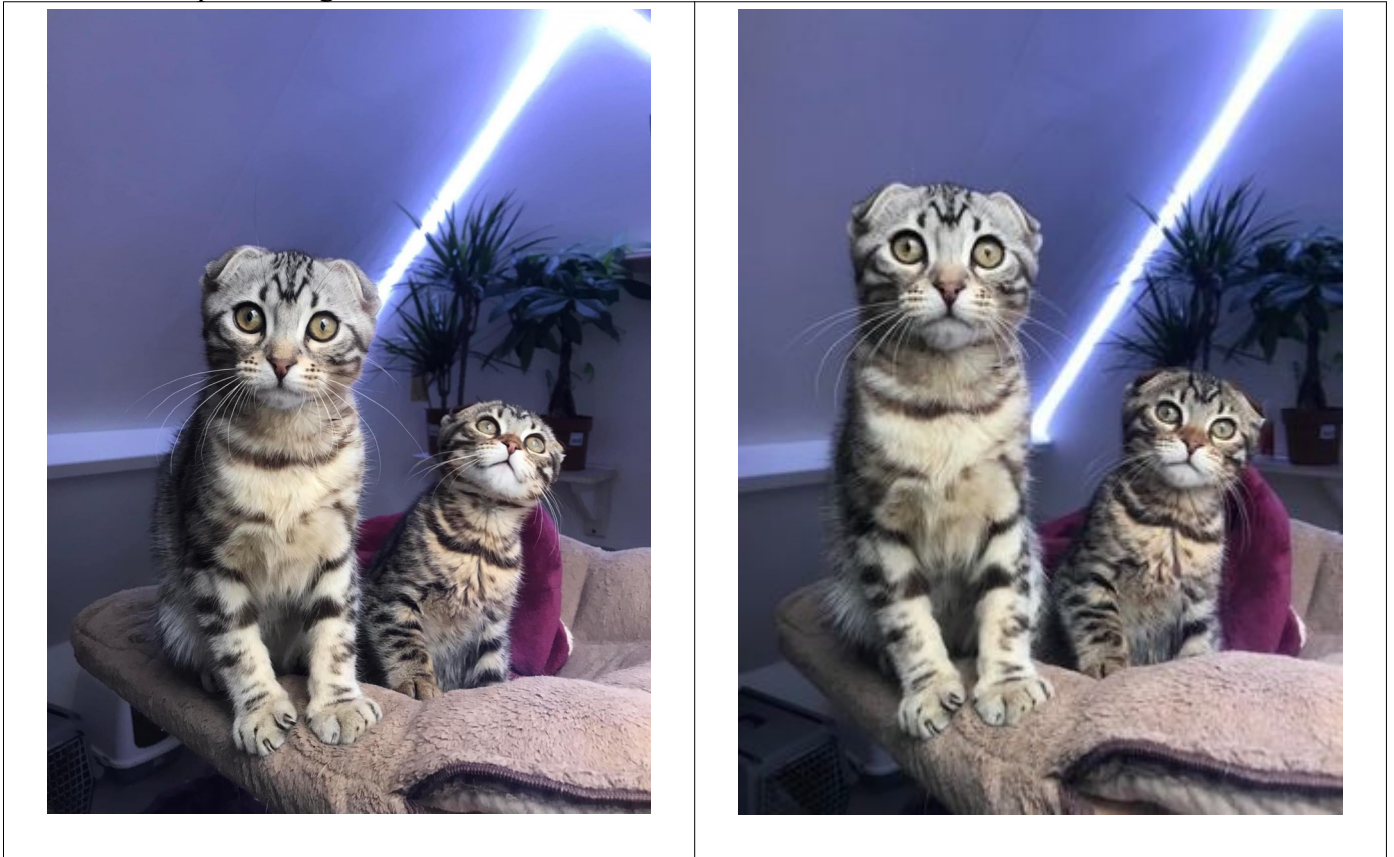
L'utilisation de la consanguinité, obligatoire, pour fixer le meilleur du standard désiré, ne sera effectué que sur la base des American.

Pour fixer la nouvelle robe « rosette » j'utilise deux femelles Bengal

(dans la création des auxiliaires) dont le sang est différent du mâle de base et également entre elles. J'ai poussé jusqu'à une sixième génération mais il est possible que cela soit plus court.

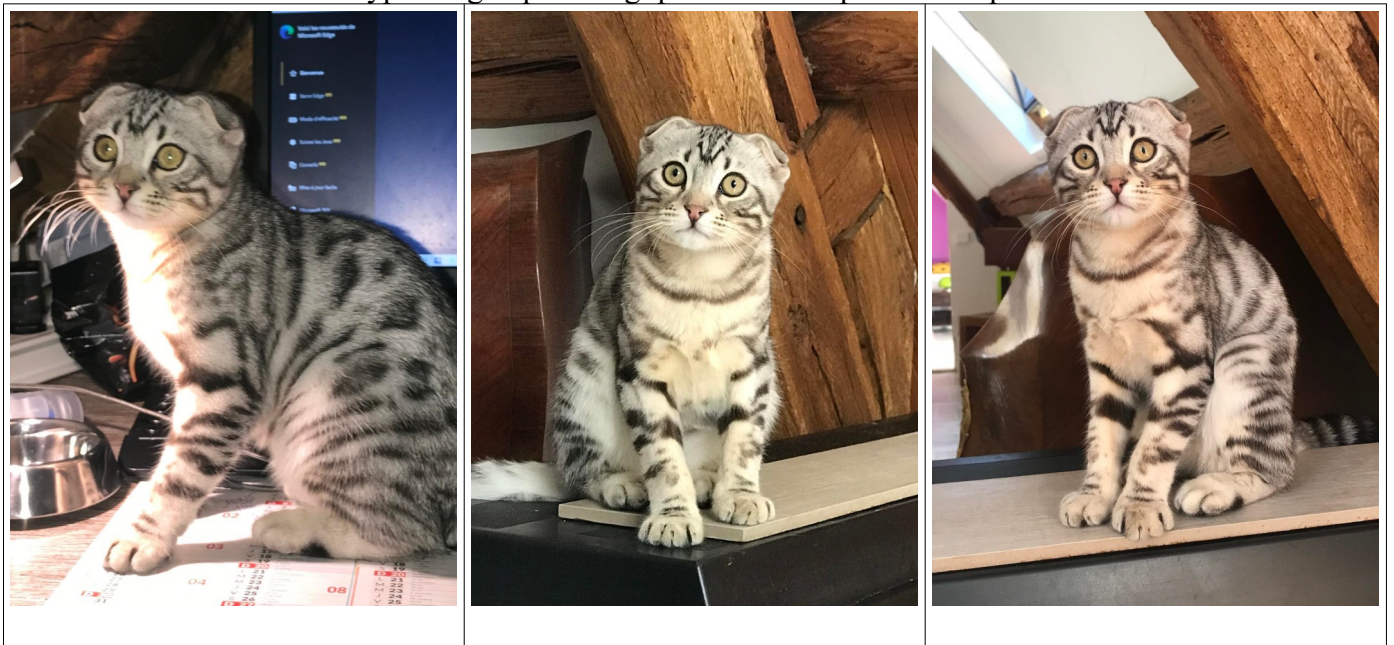
Le résultat de ces recherches est aussi basé sur les différentes qualités des Scottish de base.

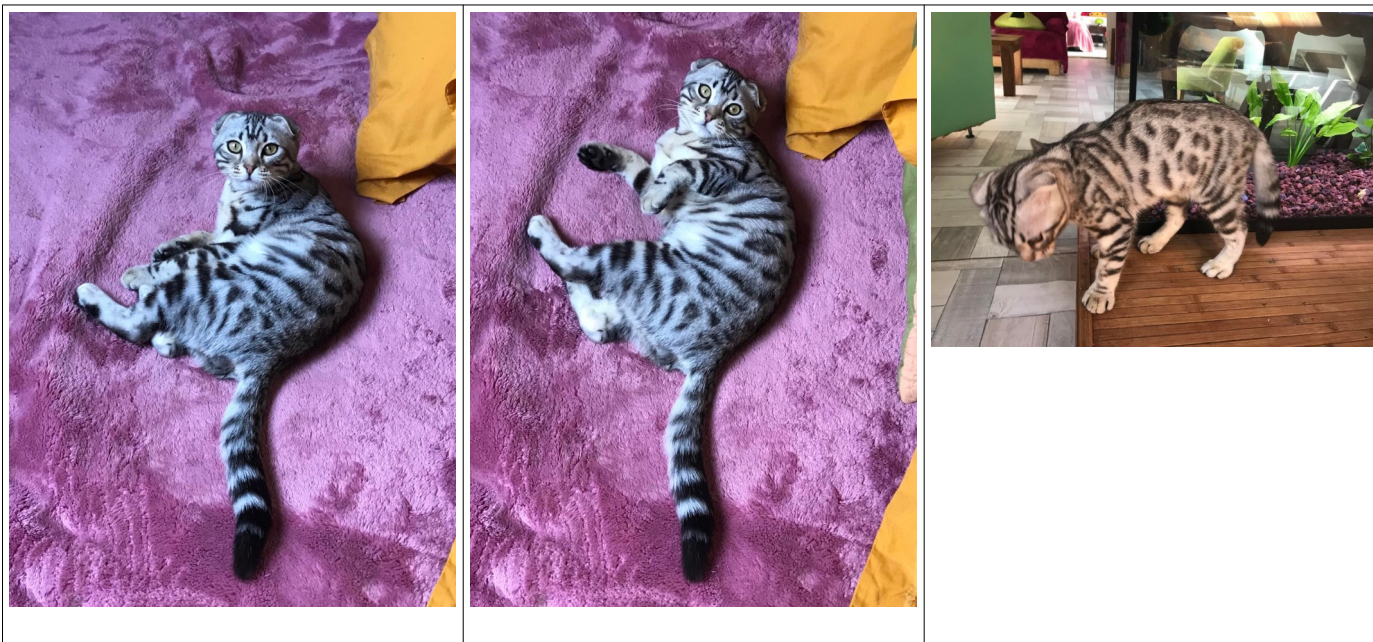
Visuel résultat première génération Fold :



Un mâle black silver spotted tabby à rosettes : SHOW MUST GO ON DE DICXILAND

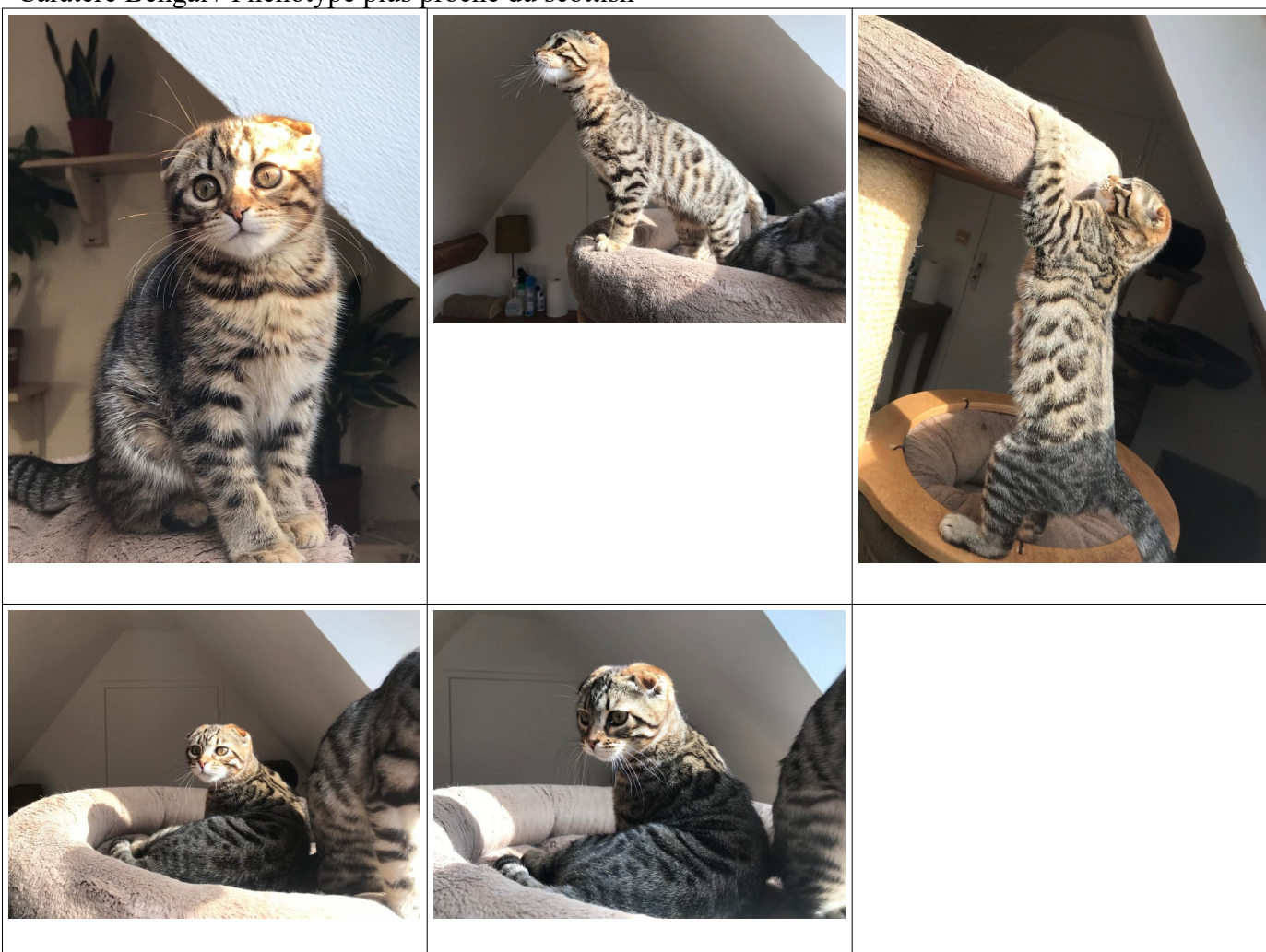
* Caractère Scottish /Phénotype bengal plus long que le scottish plus athlétique





Une femelle Brown spotted tabby à rosettes : SAVA ME DE DICXILAND

*Caratère Bengal / Phénotype plus proche du scottish



Les premiers bons points : Excellente expression du regard, oreilles parfaitement pliées et placées, rosettes à la première génération , état physique très sportif et dynamique, front présent et arrondi.

Les points plus négatifs : Perte du sous poils, museau plus long, queues longues pas assez large à la base, pas encore assez souples du fait du choix du mariage effectué, joues pas assez pleines mais sujets jeunes.

Avis de l'éleveur sur ce premier mariage : très satisfait compte tenu du sujet femelle fold utilisé à la base.

Prochaine étape : remariage sur ces deux sujets avec de l'American shorthair

Identification : SHOW MUST GO ON DE DICXILAND/250269610186377 - Code ADN : FC52527									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
148/148	107/107	130/134	197/197	128/128	143/159	212/212	168/170	187/187	136/138
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
157/159	188/192	130/138	190/192	XY					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANACRO5) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

Code ADN : FC52527

PHOTO


Nom : SHOW MUST GO ON DE DICXILAND

Identification : 250269610186377

Race : SFS.Scottish Fold

Sexe : Mâle

Date de naissance : 07/10/2021



FCA026	148/148	FCA069	107/107	FCA075	130/134	FCA105	197/197
FCA149	128/128	FCA201	143/159	FCA220	212/212	FCA229	168/170
FCA293	187/187	FCA310	136/138	FCA441	157/159	FCA453	188/192
FCA649	130/138	FCA678	190/192	ZSRY	XY		

Identification : SAVE ME DE DICXILAND/250269610186381 - Code ADN : FC52526									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
148/148	107/107	130/136	197/197	128/128	143/159	208/212	166/166	179/191	120/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
159/163	192/196	136/138	190/198	XX					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANACRO5) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

Code ADN : FC52526

PHOTO

Nom : SAVE ME DE DICXILAND

Identification : 250269610186381


Race : SFS.Scottish Fold

Sexe : Femelle

Date de naissance : 07/10/2021



FCA026	148/148	FCA069	107/107	FCA075	130/136	FCA105	197/197
FCA149	128/128	FCA201	143/159	FCA220	208/212	FCA229	166/166
FCA293	179/191	FCA310	120/136	FCA441	159/193	FCA453	192/196
FCA649	136/138	FCA678	190/198	ZSRY	XX		



Dossier : 220214000906 02

Date : 14/02/2022

Page : 1/1

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge
 Elevage : 1174
 Demandeur : ATLAN Serge
 Organisation : PRO
 Prélèveur : REY Raphaelle (24638)

Mr ATLAN Serge
 CHATTERIE DE DICXILAND
 968 Route de Flouville
 28270 MONTIGNY SUR AVRE

Date de prélèvement : 10/02/2022 Date de réception : 14/02/2022
 Nombre de prélèvements : 4 Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
 Espèce : CHAT

Filiation - contrôle de parenté Date d'exécution : 25/02/2022

Mère(s) présumée(s) *Compatibilité(s)*

FC25949 OMEGA DE DICXILAND 250269608133064 - né(e) le 10/06/2018
 Race : SFS.Scottish Fold
 LOOF: 2018.36042

Père(s) présumé(s) *Compatibilité(s)*

FC19092 GOLDENBREED THOR OF DICXILAND 643099100010574 - né(e) le 31/12/2017
 Race : BEN.Bengal
 TICA SBT 123117028

Produit(s) *Compatibilité(s)*

FC52526 SAVE ME DE DICXILAND 250269610186381 - Femelle - né(e) le 07/10/2021
 Race : SFS.Scottish Fold **Compatible avec le(s) parent(s) FC25949, FC19092**

FC52527 SHOW MUST GO ON DE DICXILAND 250269610186377 - Mâle - né(e) le 07/10/2021
 Race : SFS.Scottish Fold **Compatible avec le(s) parent(s) FC25949, FC19092**

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge
 Elevage : 1174
 Demandeur : ATLAN Serge
 Organisation : PRO
 Prélèveur : REY Raphaelle (24638)

Mr ATLAN Serge
 CHATTERIE DE DICXILAND
 968 Route de Flouville
 28270 MONTIGNY SUR AVRE

Date de prélèvement : 10/02/2022 Date de réception : 14/02/2022
 Nombre de prélèvements : 1 Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
 Espèce : CHAT Race : BEN - Bengal
 Date de naissance : 31/12/2017 Sexe : Mâle

Remarques : TICA SBT 123117028

Test FOLD Date d'exécution : 18/02/2022

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC19092 Nom : GOLDENBREED THOR OF DICXILAND Puce : 643099100010574	TICA SBT 123117028	Homozygote non porteur de Fold (+/+)

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mr ATLAN Serge
 Elevage : 1174
 Demandeur : ATLAN Serge
 Organisation : PRO
 Prélèveur : REY Raphaelle (24638)

Mr ATLAN Serge
 CHATTERIE DE DICXILAND
 968 Route de Flouville
 28270 MONTIGNY SUR AVRE

Date de prélèvement : 10/02/2022 Date de réception : 14/02/2022
 Nombre de prélèvements : 1 Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
 Espèce : CHAT Race : BEN - Bengal
 Date de naissance : 31/12/2017 Sexe : Mâle

Remarques : TICA SBT 123117028

APRb - Atrophie Progressive de la Rétine du Bengal Date d'exécution : 18/02/2022

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC19092 Nom : GOLDENBREED THOR OF DICXILAND Puce : 643099100010574	TICA SBT 123117028	NORMAL (+/+)